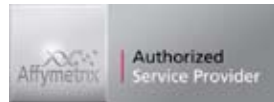


## PROFILO AZIENDALE



La ATLAS Biolabs GmbH è fornitore leader di servizi di genomica su microarray, quali espressione genica sull'intero genoma e analisi degli SNP, analisi CGH e servizi diagnostici per dottori e ospedali registrati, nonché per imprese farmaceutiche, biotecnologiche e diagnostiche. Quale fornitore autorizzato di servizi Affymetrix e Agilent, la ATLAS Biolabs offre in Europa una produzione senza precedenti, garantendo analisi di alta qualità ed economicamente produttive.

La sua elaborazione di dati e la sua bioinformatica di alto livello assicurano una gestione professionale (archiviazione, analisi, data mining) delle grandi quantità di dati ottenuti. Il nostro obiettivo è quello di far sì che ognuno abbia una visione individuale delle origini familiari, della genealogia e dei tratti ereditati.

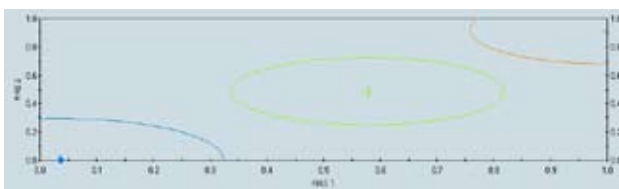
Per raggiungerlo, la ATLAS Biolabs sta lavorando sulla base di recenti progressi nel campo delle tecnologie di analisi genetica molecolare, per consentire un accesso sicuro ad accurate informazioni genetiche individuali.

La ATLAS Biolabs è certificata ai sensi della norma ISO 9001:2000. Il servizio che ATLAS Biolabs offre viene quindi effettuato sulla base di regole qualitative interne che garantiscono una qualità costante del nostro lavoro.

## PRODOTTI E SERVIZI PER IL MERCATO ITALIANO

- **SERVIZIO DI GENOTIPIZZAZIONE SNP HIGH-THROUGHPUT**

La ATLAS Biolabs offre accesso a diverse piattaforme tecnologiche, coprendo le esigenze di genotipizzazione di 10 - 1 milione di SNP.



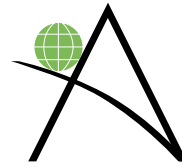
I polimorfismi a singolo nucleotide (SNP) sono una delle due principali cause di variazione genetica umana (la seconda sono le varianti del numero di copie, CNV). Oggigiorno si conoscono oltre 10 milioni di SNP, il che corrisponde a una distribuzione di un SNP per poche centinaia di paia di basi.

Solo l'1% circa di tutti gli SNP è costituito da "SNP delle regioni codificanti" (cSNP)

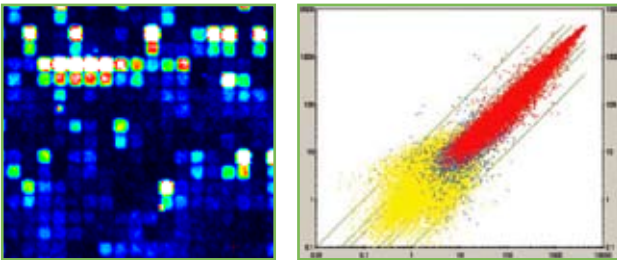
localizzati nei geni ed essi possono essere direttamente patogeni.

Tuttavia, la maggior parte degli SNP è localizzata al di fuori delle regioni codificanti e - a meno che non intervenga una regolazione trascrizionale - non ha effetti.

Non di meno, gli SNP possono essere strettamente legati a geni, fungendo quindi da marcatori per localizzare la diramazione delle regioni genomiche, ad es. varianti di trascritti patologiche o loci per caratteri quantitativi (QTL).



- **SERVIZIO DI ANALISI DELL'ESPRESSIONE GENICA**

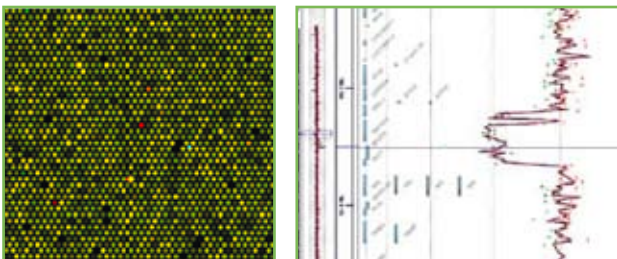


La ATLAS Biolabs è un fornitore indipendente di servizi di analisi di profili d'espressione con la tecnologia dei chip. Ci serviamo quindi di tutte e tre le maggiori piattaforme per lo studio dei pro-fili d'espressione (Affymetrix, Agilent, Illumina).

Miriamo ad offrire la soluzione migliore per le esigenze dei nostri clienti, a seconda degli aspetti scientifici, tecnici ed economici di ogni progetto specifico.

Offriamo la nostra assistenza per la progettazione di esperimenti con microarray e analisi dettagliate di dati per trarre il massimo profitto da ogni esperimento.

- **SERVIZIO ARRAY CGH**



La piattaforma per microarray Agilent è una delle tecnologie leader di microarray a DNA nel mondo. Sulla base di oligonucleotidi da 60-meri e stampanti a getto d'inchiostro molto flessibili, gli array per ibridazione

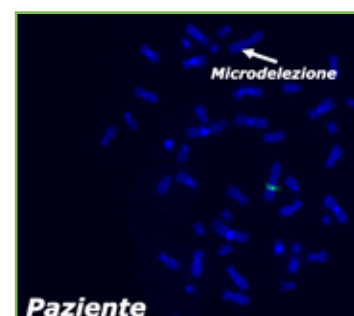
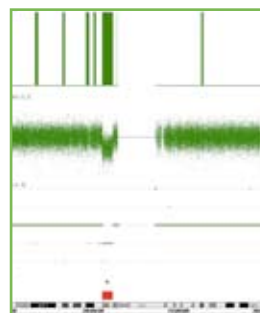
genomica comparativa (CGH) di Agilent forniscono uno strumento molto efficace per l'individuazione delle variazioni del numero di copie (CNV) sull'intero genoma.

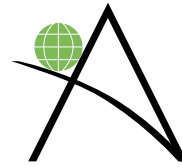
La risoluzione di CGH su array è fino a 150 volte superiore a quella della CGH convenzionale su cromosomi. È possibile individuare squilibri cromosomici di entità submicroscopica sconosciuti in passato nei pazienti affetti da cancro, ritardo mentale, anomalie congenite e problemi dello sviluppo.

- **SERVIZIO DI CARIOTIPIZZAZIONE MOLECOLARE**

Attualmente i DNA microarray rappresentano cromosomi umani a risoluzione molto alta.

Il Gene-Chip® Human Mapping 500K Array Set di Affymetrix, per esempio, ha una distanza media tra SNP di 5.8 kb. Tranne che nel caso della genotipizzazione SNP, questo chip può essere utilizzato per individuare





squilibri genetici, quali varianti del numero di copie (CNV), perdita di eterozigosità (LOH) e CNN-LOH, la cosiddetta disomia uniparentale.

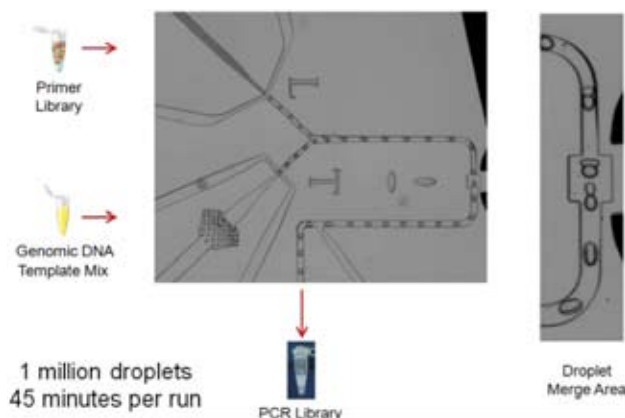
La determinazione del cariotipo a livello molecolare – cariotipizzazione molecolare – sta quindi integrando in misura crescente e rimpiazzando la cariotipizzazione classica.

Per individuare i potenziali squilibri genetici nei cromosomi umani si confronta il campione del paziente con i set di riferimento, ad es. quelli del progetto HapMap<sup>1</sup>, usando il tool di analisi per il numero di copie CNAT4 dell’Affymetrix o il software Genotyping Console™.

Si annotano potenziali squilibri con riferimenti genetici per le rispettive regioni mediante l’NCBI MapViewer del Centro Nazionale per le Informazioni di Biologia Molecolare (NCBI) e con le variazioni del numero di copie conosciute dal database genomico “Database of Genomic Variants<sup>2</sup>”.

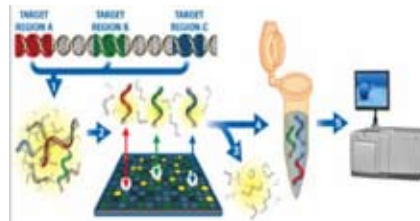
- **RAINDANCE**

Nonostante la crescita costante di capacità messe a disposizione dalle nuove tecnologie di sequenziamento, è essenziale focalizzare l’interesse su determinate regioni genomiche, per affrontare molti progetti scientifici in modo razionale ed economicamente produttivo. La RainDance Droplet Technology (RDT) combina la semplicità, la specificità e la robustezza della reazione a catena della polimerasi (PCR) con un dispositivo microfluidico estremamente innovativo. Generando un milione di microgocce, ognuna fungente da recipiente per una reazione PCR singola, si possono combinare in un tubo PCR standard fino a 4.000 reazioni PCR differenti in una sola volta. A partire da 2 micro-grammi di DNA genomico, si possono arricchire fino a 1,5 MB di sequenza genomica con una percentuale molto bassa di bias generati dalla sequenza.



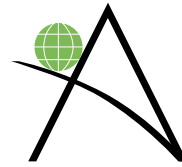
- **NIMBLEGEN**

Nonostante le prestazioni delle nuove tecnologie di sequenziamento, per effettuare un’analisi conveniente continua ad essere necessario circoscrivere la complessità dei risultati. Gli array NimbleGen offrono un approccio molto flessibile e conveniente per catturare fino a 30 MB di sequenza genomica, il che supera di gran lunga ciò che si può fare con qualsiasi altra tecnologia concorrenziale. La produzione di array su misura per il cliente (385K e 2,1M) e il catalogo “Human Exome Array” (con 180.000 esoni) permettono di affrontare un’ampia gamma di problemi scientifici.



- **ANALISI DI DATI PER LA BIOINFORMATICA**

La gestione di dati provenienti da progetti di sequenziamento High-throughput o esperimenti con microarray richiede notevole perizia in campo statistico, bioinformatico e IT. La ATLAS Biolabs è in grado di offrirvi questa perizia in maniera standardizzata per esperimenti di studio dei profili di espressione e per la genotipizzazione SNP. Questi processi possono inoltre essere ottimizzati per soddisfare le esigenze specifiche dei vostri progetti.



## REFERENZE

### IMPRESE COME AD ES.:

- Bayer Schering Pharma AG
- CellServe GmbH
- SYGNIS Bioscience GmbH & Co. KG
- Signature Diagnostics AG
- Steigerwald Arzneimittelwerk GmbH

### ISTITUTI DI RICERCA COME AD ES.:

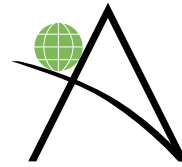
- Istituto Robert Koch
- Istituto Max Planck di immunobiologia
- Istituto Bernhard Nocht di medicina tropicale
- Istituto tedesco per la ricerca sul cancro
- Istituto Leibniz di biochimica delle piante

### UNIVERSITÀ E CLINICHE UNIVERSITARIE LEADER IN GERMANIA E IN EUROPA

## TARGET CLIENTI

- Università e cliniche universitarie
- Istituti di ricerca (ad es. istituti Max Planck)
- Ditte biotecnologiche che si occupano di ricerca (diagnostica, ricerca sul cancro...)
- Industria farmaceutica

## DIPENDENTI



## ATTIVITÀ ALL'ESTERO

### CLIENTI IN:

Francia, Austria, Svizzera, Danimarca, Svezia,  
Norvegia, Inghilterra, Russia, Georgia, Asia

Percentuale degli incassi rapportati al  
fatturato annuo: ca. 10%

## PARTNER IDEALE PER IL MERCATO ITALIANO

Clienti finali dei gruppi target menzionati

## ALTRE LINGUE PARLATE IN AZIENDA

Inglese, francese, turco

### INDIRIZZO

**ATLAS Biolabs GmbH**  
Kerpener Str. 61-69, 50937 Köln  
Friedrichstr. 147, 10117 Berlin

INTERNET  
[www.atlas-biolabs.de](http://www.atlas-biolabs.de)

**1. PERSONA DI RIFERIMENTO:**  
Dr. Fikret Erdogan  
TELEFONO: +4930319896612  
FAX: +49307001431226  
CELLULARE: +491707844420  
EMAIL: [erdogan@atlas-biolabs.de](mailto:erdogan@atlas-biolabs.de)

**2. PERSONA DI RIFERIMENTO:**  
Tom Baraniecki, dott. in economia aziendale  
TELEFONO: +4930319896615  
FAX: +49307001431226  
CELLULARE: +491707844422  
EMAIL: [baraniecki@atlas-biolabs.de](mailto:baraniecki@atlas-biolabs.de)



ATLAS[BIO LABS]



Via G. Scalia, 4 I - 00136 Roma  
Tel. +39 06 39031190  
Tel. +39 06 39886007  
Fax +39 06 39031161  
[info@sbs-business.com](mailto:info@sbs-business.com)  
[www.sbs-business.com](http://www.sbs-business.com)

[www.vhp-italien.org](http://www.vhp-italien.org)  
[www.biotechgermania.it](http://www.biotechgermania.it)

